Eléments de génétique canine

Pr Dominique GRANDJEAN
Unité de Médecine de l'Elevage et du Sport
Ecole Nationale Vétérinaire d'Alfort





TRANSMISSION DES CARACTERES GENETIQUES





TRANSMISSION DES CARACTERES GENETIQUES



- Les chromosomes, supports de l'hérédité
- Transmission des caractères : les lois de l'hérédité



Qu'est-ce qu'un caractère génétique? Aussi appelé caractère héréditaire • Expression visible d'un ou de plusieurs gènes



Exemples de caractères génétiques



Morphologie





Aptitudes naturelles

Maladies génétiques



TRANSMISSION DES CARACTERES GENETIQUES

Qu'est-ce qu'un caractère génétique ?



 Transmission des caractères : les lois de l'hérédité





- Un noyau contenant de l'ADN dans chaque cellule de tout être vivant
- L'ADN est organisé en chromosomes
- 39 paires de chromosomes chez le chien
- Génome: ensemble des chromosomes
- Génome hérité pour moitié du père et pour moitié de la mère
- « tout est en double »





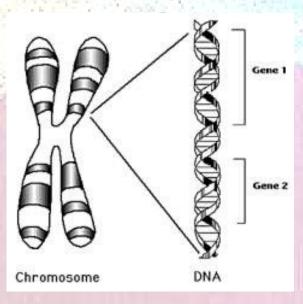
 Génotype : informations contenues dans les gènes, ou patrimoine héréditaire

 Phénotype : apparence, expression des gènes et influence de l'environnement





 Gène: petite partie de chromosome, situé à un endroit précis, appelé « locus »









- Pour chaque gène, il existe plusieurs versions appelées « allèles »
- Chez un même chien, on a deux allèles identiques ou différents
- Exemple : pour le gène B, on a deux allèles possibles:
 - B+ noir
 - b marron (ou chocolat)





•2 Allèles identiques = individu homozygote pour ce gène

$$(B+, B+)=$$
 noir

$$(B+, B+)=$$
 noir ou $(b,b)=$ marron





•2 Allèles différents = individu hétérozygote pour ce gène ...? À suivre... (B+,b)=



TRANSMISSION DES CARACTERES GENETIQUES

- Qu'est-ce qu'un caractère génétique ?
- · Les chromosomes, supports de l'hérédité
- Transmission des caractères : les lois de l'hérédité



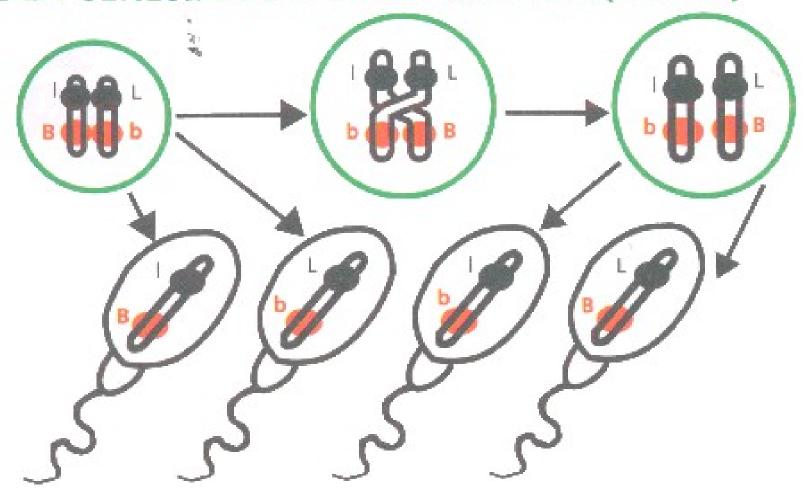


 Formation des cellules sexuelles (spermatozoïde et ovocyte): échange de morceaux de chromosomes et dissociation

 Les cellules sexuelles contiennent 39 chromosomes



EXEMPLE DE TRANSMISSION ALÉATOIRE DE DEUX CARACTÈRES AU COURS DE LA GÉNÈSE DES SPERMATOZOÏDES (méiose)







Fécondation :
 réunion des chromosomes
 d'où 39 paires de chromosomes
 dans la cellule-œuf, futur chiot...





 Chaque spermatozoïde ou ovocyte reçoit une information différente

 Lors de la fécondation, le réassemblage de l'information se fait au hasard

« la loterie »





Deux catégories de caractères

- Caractères qualitatifs: ils définissent une qualité (couleur fauve ou noire, oreilles dressées ou tombantes...)
- Caractères quantitatifs: ils peuvent se mesurer (taille au garrot, poids, longueur du fouet...)



« blanc ou noir », ou « oui ou non »



•2 Allèles <u>identiques</u> = individu homozygote (B+, B+)= noir ou (b,b)= marron



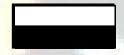


•2 Allèles différents = individu hétérozygote

Marron?

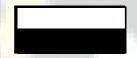






- Quand B+ est présent au moins une fois chez un chien, le chien est noir
- B+ (noir) est l'allèle dominant
- b (marron) est l'allèle récessif





 Quelle sera la distribution des couleurs dans une portée selon la couleur des parents?

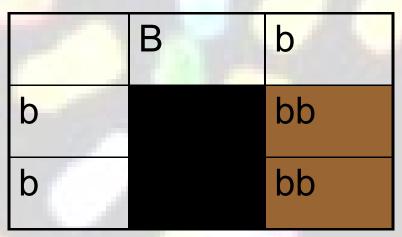
 Les prévisions statistiques sont toujours possibles...mais pas toujours vérifiées!



Exemple concret

 Mâle noir Bb (porteur du gène marron) * femelle marron bb

50% de chiots noirs et 50% de chiot marrons

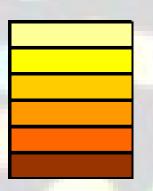








CEA 2004



« du plus clair au plus foncé »
 ou
 « du plus petit au plus grand »



- Caractères quantitatifs: ils peuvent se mesurer (taille au garrot, poids, longueur du fouet...)
- En fait les plus nombreux
- dû à l'addition d'un grand nombre de « minigènes », qui ont chacun un petit effet



- Tout descendant présente une valeur intermédiaire entre celle de ses deux parents Exemple : poids
- Croisement chien mâle de 15 kg avec chienne de 35 kg
- Quel sera le poids moyen des descendants?
- Les chiots de cette portée auront un poids adulte compris entre 20 et 30 kg en moyenne



MAIS...

 les effets de l'environnement peuvent être importants (conditions de vie et d'entraînement)

Exemple : lévrier de course



- « Potentiel génétique »
- « hérédité de prédisposition »

 Certains caractères sont plus ou moins héritables

Exemple : taille au garrot, aboiement à l'ordre



 Héritabilité élevée : le phénotype reflète assez bien le génotype, on peut donc sélectionner d'après l'apparence

 Exemple: morphologie (conformation de la tête, ossature...)



 Héritabilité faible : le phénotype reflète assez mal le génotype, l'environnement exerce beaucoup d'effets

Exemple : longévité



• Héritabilité moyenne : cas le plus fréquent

Exemple : vitesse de croissance



Conclusion

Il faut bien donc bien distinguer:

 Phénotype : apparence du chien (morphologie, allures, comportement, aptitudes...)

Génotype : patrimoine héréditaire du chien

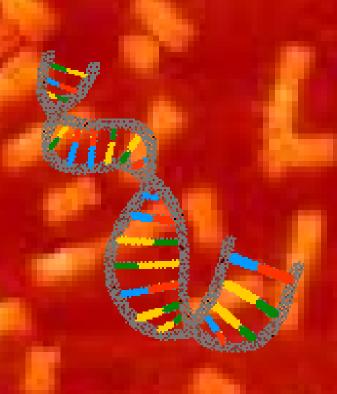


Conclusion

- Le patrimoine héréditaire du chien représente un potentiel
- Quelques caractères sont simples à déterminer et leur transmission est connue, on peut alors prévoir l'apparence du chiot
- De nombreux caractères ne s'exprimeront qu'en présence de certains facteurs du milieu



TARES D'ORIGINE GENETIQUE CHEZ LE CHIEN





Quel rapport entre génétique et maladie?

- Rapport direct : un ou plusieurs gènes suffisent seuls à induire une anomalie ou une affection (exemple : hémophilie),
- Ou si un ensemble de gènes induit une prédisposition pour une affection (exemple : dysplasie coxo-fémorale)

Ce sont les tares génétiques au sens strict

 Cependant de façon indirecte, la sélection de l'hypertype entraîne l'apparition d'affections particulières (exemple : brachycéphale et problèmes respiratoires)



Quelques définitions

 Caractère congénital : caractère présent dès la naissance qu'il soit d'origine génétique ou non

 Caractère héréditaire : caractère qui suit les lois de l'hérédité (transmis par les parents)



- Plus de 250 anomalies d'origine génétique
- · 90 sont dues à un gène récessif
- 15 sont dues à un gène dominant
- 45 sont dues à plusieurs gènes agissant ensemble
- Les autres anomalies n'ont pas de déterminisme connu
- Génétique qualitative / quantitative



Origine génétique des maladies

- · Maladies dues à un gène récessif
- Maladies dues à un gène dominant
- Maladies dues à plusieurs gènes



Les plus fréquentes

- Allèle malade (m) et allèle sain (S)
- m/m est malade, m/S est porteur sain,
 S/S est sain
- Exemple de croisement selon le génotype des parents



Exemple de croisement

Mâle porteur sain *femelle porteuse saine

	m	S
m	mm	mS
S	mS	SS



Père \ Mère	m/m (malade)	m/S (porteur sain)	S/S (sain)
m/m (malade)	100 % de chiots malades	50 % de chiots malades 50 % porteurs sains	100 % porteurs
m/S (porteur sain)	50 % de chiots malades 50% de chiots porteurs sains	25 % malades 50 % porteurs 25 % sains	50 % porteurs 50 % sains
S/S (sain)	100 % de chiots porteurs	50 % porteurs 50 % sains	100 % sains



Fréquence des sains non porteurs et des porteurs sains en fonction de la fréquence des malades dans le cas d'une maladie due à un gène récessif

Fréquence des malades m/m	Fréquence des porteurs sains (m/S)	Fréquence des sains non porteurs (S/S)
0,1%	6 %	94 %
1 %	18 %	81 %
10 %	44 %	46 %



Mesures préventives:

- Organiser un dépistage systématique
- Ne pas utiliser de chien malade ou de porteur sain pour la reproduction
- Pour repérer les porteurs sains, il faut étudier la généalogie (ascendants, descendants, frères et sœurs)



 Si un des parents est malade (m/m), le chiot est porteur sain ou malade

	m	m
m	mm	mm
S	mS	mS

	m	m
S	mS	mS
S	mS	mS

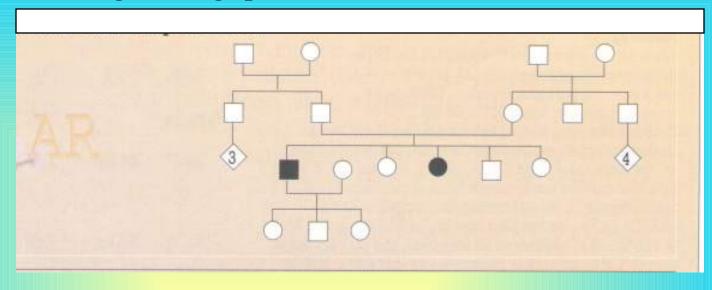


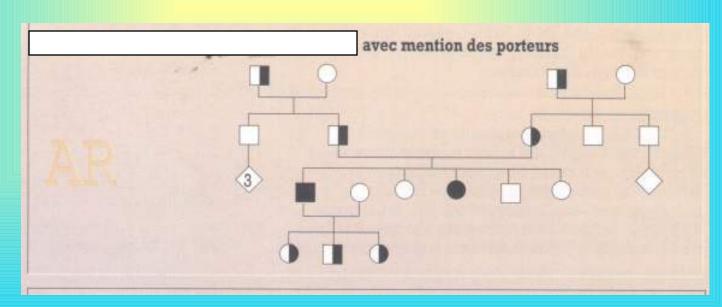
 Si un chien apparemment sain est accouplé à une chienne apparemment saine (m/S ou S/S) et qu'il naît au moins un chiot malade (m/m), les deux parents sont porteurs sains (m/S)

	m	S
m	mm	mS
S	mS	SS



Exemple d'arbre généalogique







L'élimination de la tare est

✓ fastidieuse

(beaucoup de tests de dépistage)

√ lente

(la tare « saute » des générations)



Exemples:

- Anomalie de l'œil du colley
- Epidermolyse bulleuse jonctionnelle
- Alopécie des robes diluées
- Ostéodystrophie cranio-mandibulaire







Anomalie de l'œil du Colley



Épidermolyse bulleuse jonctionnelle



Ostéodystrophie cranio-mandibulaire W.H.W.T. de 8 mois



Origine génétique des maladies

- Maladies dues à un gène récessif
- Maladies dues à un gène dominant
- Maladies dues à plusieurs gènes

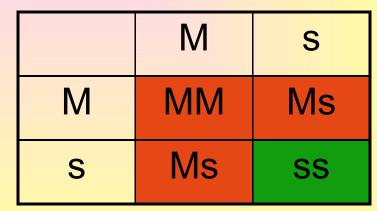


Maladies dues à un gène dominant

Les plus rares

- Tout individu possédant un allèle malade est atteint (M/s ou M/M)
- Pas de porteur sain

	S	S
М	Ms	Ms
М	Ms	Ms





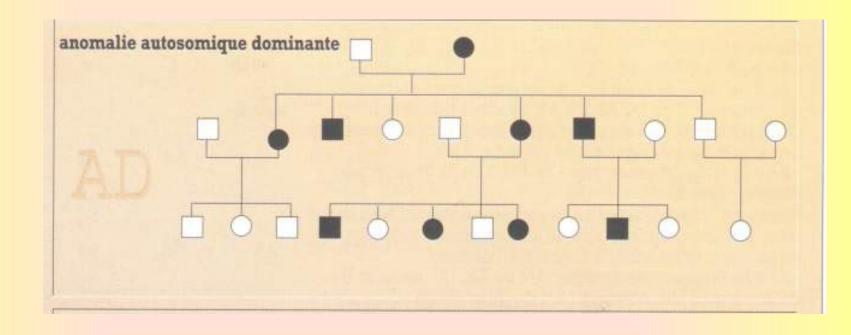
Maladies dues à un gène dominant

Mesures préventives :

- Dépistage systématique
- Exclusion des chiens atteints de la reproduction
- L'éradication de la tare est alors très rapide



Exemple d'arbre généalogique





Maladies dues à un gène dominant

MAIS...

- Possible expression tardive de l'anomalie, après la mise à la reproduction, d'où un problème d'éradication
- La maladie peut être moins grave chez les hétérozygotes (M/s) que chez les homozygotes (M/M)
- Beaucoup d'anomalies à pénétrance incomplète: la maladie ne s'exprime pas (ou partiellement) chez les individus censés être malades d'après leur génotype



Maladies dues à un gène dominant

Exemples:

- Hypotrichose des races de chiens nus, dans ce cas l'homozygote n'est pas viable
- Paralysie congénitale du larynx (apparaît entre 4 et 14 mois)
- Cataracte congénitale dans certaines races (pénétrance incomplète)









Cataracte congénitale Berger Allemand, 4 mois



Origine génétique des maladies

- Maladies dues à un gène récessif
- Maladies dues à un gène dominant
- · Maladies dues à plusieurs gènes



Maladies dues à plusieurs gènes

 Ensemble de gènes défavorables et action de l'environnement

 Hérédité de prédisposition (notion de génétique quantitative)



Maladies dues à plusieurs gènes

L'éradication de la tare est très difficile

 Il faut favoriser les individus sains ou les moins atteints, car ces individus ont théoriquement moins de gènes défavorables que les autres...



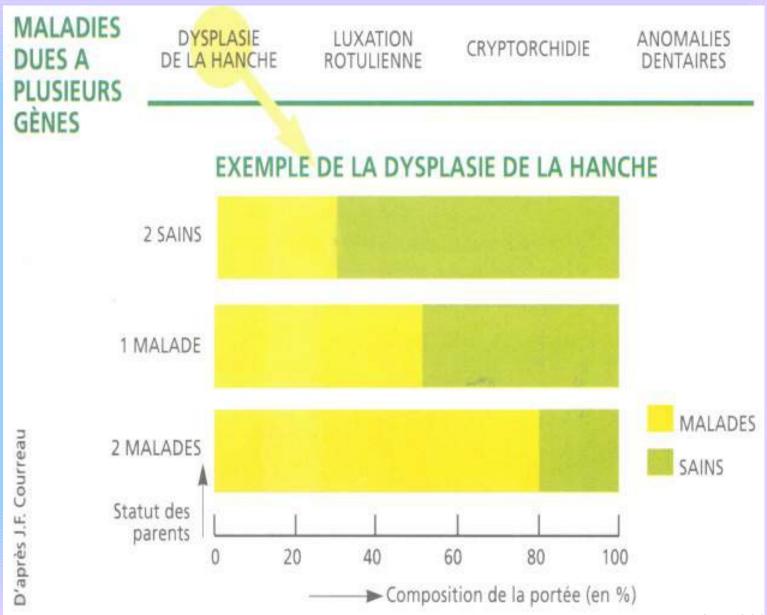
Maladies dues à plusieurs gènes

Exemples:



- Dysplasie coxo-fémorale
- Cryptorchidie ou ectopie testiculaire
- Dysplasie du coude (fragmentation de l'apophyse coronoïde et non union du processus anconé)







CEA 2004

Conclusion

- Grand nombre de maladies d'origine héréditaire prouvée ou supposée chez le chien
- Mise en place d'une politique d'éradication au sein d'un élevage ou d'un club de race :

toujours difficile, cependant il ne faut pas tomber dans les excès (ignorer l'anomalie ou écarter trop de chiens de la reproduction)

 Une réduction trop forte du nombre des reproducteurs potentiels entraîne un appauvrissement génétique très préjudiciable



But de la sélection en élevage canin

 Produire des chiots correspondant aux caractéristiques recherchées par l'éleveur

• Exemples:

bon chien de chasse, bon chien de compagnie, bon chien d'exposition de beauté...



Les méthodes de sélection

- La sélection sur l'apparence
- La sélection généalogique
- La consanguinité
- L'out-crossing



La sélection sur l'apparence

Ou sélection phénotypique

- On ignore la recherche généalogique
- On accouple deux reproducteurs dont l'apparence est celle désirée
- On suppose une bonne corrélation entre phénotype et génotype



La sélection sur l'apparence

Les résultats :

- Bons pour des caractères qualitatifs (couleur de robe de base)
- Bons pour une héritabilité élevée (morphologie)
- Globalement aléatoires, progrès lents
- Enrichissement génétique intéressant
- Attention à la dérive génétique sur les caractères non soumis à la sélection (beauté/comportement ou longueur de poil/aplombs)



Les méthodes de sélection

- La sélection sur l'apparence
- La sélection généalogique
- La consanguinité
- L'out-crossing



La sélection généalogique

 On cherche à prédire la valeur génétique d'un reproducteur par l'appréciation de ses ancêtres, descendants et collatéraux

 La précision de la méthode augmente avec le nombre de chiens apparentés examinés



La sélection généalogique

Exemple : couleur de robe

• l'allèle noir est dominant sur l'allèle marron (exemples : doberman, labrador, terre-neuve)

 Pour obtenir uniquement des chiots noirs dans une portée issus de deux parents noirs, on va chercher à vérifier que les parents ne sont pas porteurs du gène « marron », notamment qu'un ancêtre n'est pas marron







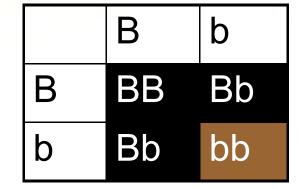
Phénotype: marron [b]

Phénotype: noir [B]

Génotype: (bb)

Génotype: (bB) ou (BB)

	В	В
В	BB	BB
b	Bb	Bb





La sélection généalogique

 Pour transmettre « à tous les coups » les bons gènes, il faut que les reproducteurs soient homozygotes pour les caractères recherchés

D'où l'usage de la consanguinité



Les méthodes de sélection

- La sélection sur l'apparence
- La sélection généalogique
- La consanguinité
- L'out-crossing



La consanguinité

- Accouplement des individus apparentés dans le but de fixer leurs caractères génétiques à l'état homozygote
- Individus apparentés si au moins un ascendant commun sur 5 générations
- Création d'une lignée
- Attention : on peut aussi bien fixer des qualités que des défauts...

La consanguinité

Les défauts ne sont pas créés par la consanguinité, ils sont révélés (allèle récessif)



Degré de consanguinité

 Consanguinité serrée : accouplement Père/fille

 Consanguinité large : accouplement entre cousins éloignés



La consanguinité

Avantage :

Fixer des qualités satisfaisantes pour l'éleveur

• Inconvénients :

Appauvrissement génétique

Fixe des défauts



Les méthodes de sélection

- La sélection sur l'apparence
- La sélection généalogique
- La consanguinité
- L'out-crossing



L'out-crossing

ou croisement de lignées

- Utilisation d'un autre courant de sang dans un élevage plus ou moins consanguin
- But :
 combiner les qualités des deux lignées,
 apporter de la « vigueur hybride »



L'out-crossing

Avantages:

- Enrichissement génétique
- Possible production d'excellents sujets
- Portée théoriquement homogène

Inconvénient:

 Les chiots produits sont hétérozygotes, ils transmettront mal leur phénotype



L'out-crossing

On peut cependant utiliser ces chiots comme reproducteurs avec l'une ou l'autre des lignées de départ



Application des méthodes de sélection

- L'utilisation combinée de plusieurs méthodes est la plus intéressante (sélection sur l'apparence et sur la généalogie)
- Les éleveurs de chiens le font par intuition
- L'ensemble des chiens d'une même race ne devraient pas être consanguins, par contre il peut exister des lignées consanguines au sein d'une même race



Conclusion

Les grands principes :

 Se donner des priorités : ne retenir au départ qu'un petit nombre de caractères à améliorer

 Se rappeler que les caractères qualitatifs sont plus rapides et plus faciles à fixer que les caractères quantitatifs



Conclusion

- L'accouplement de sujets génétiquement éloignés peut donner des chiots exceptionnels, mais sans doute pas de bons « (t)raceurs »
- La consanguinité favorise la fixation des caractères en augmentant l'homozygotie
- Le croisement entre lignées permet l'enrichissement génétique

